

*Быканова М. А., Солодилова М. А., Богомазов А.Д., Иванов В.П.,
Бушуева О.Ю., Полоников А.В.*

**АНАЛИЗ АССОЦИАЦИИ ПРОМОТОРНОГО ПОЛИМОРФИЗМА
–129С>Т ГЕНА ГЛУТАМАТЦИСТЕИНЛИГАЗЫ**

В ФОРМИРОВАНИИ АЛЛЕРГИЧЕСКИХ ЗАБОЛЕВАНИЙ

Научный руководитель д-р биол. наук, проф. Солодилова М. А.

Кафедра биологии, медицинской генетики и экологии

Курский государственный медицинский университет, г. Курск

Актуальность. Значимое место в патогенезе аллергических заболеваний (АЗ) занимают иммунно-генетические нарушения. Для изучения генетических основ развития бронхиальной астмы (БА), атопического дерматита (АД) и аллергического ринита (АР) используют методологию поиска ассоциаций генов-кандидатов с риском развития патологии. Среди генов, имеющих патогенетическое значение для АЗ, можно выделить гены системы редокс-гомеостаза, контролирующей активность свободно-радикального окисления. В настоящем исследовании изучен полиморфизм гена *GCLC*, кодирующий каталитическую субъединицу фермента метаболизма глутатиона – глутаматцистеин лигазы.

Цель: изучить связь полиморфизма гена *GCLC* с риском развития аллергических заболеваний (БА, АД и АР) у детей.

Задача: провести анализ ассоциации промоторного полиморфизма –129С>Т гена *GCLC* с предрасположенностью к АЗ у детей Курской области.

Материалы и методы. Всего было обследовано 267 неродственных детей больных АЗ и 65 здоровых ребенка русской национальности, проживающих на территории Курской области. Генотипирование образцов ДНК по полиморфизму –129С>Т (rs17883901) гена *GCLC* проводилось методом ПЦР в режиме реального времени путем дискриминации аллелей с помощью TaqMan-зондов.

Результаты и их обсуждение.

Распределения генотипов каждого из трех рассматриваемых заболеваний соответствовали равновесию Харди-Вайнберга. Частоты генотипов СС, СТ и ТТ полиморфизма –129С>Т гена *GCLC* были следующими: 82,4%, 16% и 1,7% у больных БА, 84,6%, 12,3 и 3,1% у здоровых детей; 78,1%, 21,9% и 0% у больных АД и 84,6%, 12,3%, 3,1% у здоровых; 80,0%, 20,0% и 0% у больных АР, 84,6%, 12,3 и 3,1% у здоровых. Частоты генотипов соответствовали таковым в других европеоидных популяциях. Как видно из распределений генотипов в группах, статистически значимых различий в их частотах между группами здоровых и больных детей не установлено ($p > 0.05$).

Вывод: Полиморфизм –129С>Т гена *GCLC* не оказывает влияния на риск развития аллергических заболеваний у детей в Курской области. Однако, учитывая возможность межэтнических различий во вкладе исследованного полиморфизма гена *GCLC* в развитие АЗ необходимо продолжить исследования данного локуса в других популяциях мира.