

Корогодина Т. В., Долженкова Е. М., Кудрявцева О. К., Бушуева О. Ю.
**ПОЛИМОРФИЗМ -174G>C ГЕНА *IL 6* АССОЦИИРОВАН С РИСКОМ
 РАЗВИТИЯ МИОМЫ МАТКИ В ПОПУЛЯЦИИ ЦЕНТРАЛЬНО-
 ЧЕРНОЗЕМНОГО РЕГИОНА РОССИИ**

Научный руководитель канд. мед. наук, доц. Бушуева О. Ю.
Кафедра биологии, медицинской генетики и экологии
Курский государственный медицинский университет, г. Курск

Актуальность. В настоящее время концепция патогенеза миомы матки (ММ) неразрывно связана с изучением молекулярно-генетических аспектов процессов клеточной пролиферации, апоптоза и ангиогенеза. Провоспалительные цитокины (интерлейкины – 1, 6) играют важное значение в патогенезе ММ, осуществляя контроль за ростом и дифференциацией гладкомышечных клеток миометрия.

Цель: изучение ассоциации функционально значимого полиморфизма -174G>C гена *IL 6* с риском развития ММ.

Задачи:

- 1 Оценить у исследуемых групп полиморфизм гена интерлейкина-6.
- 2 Установить генетический риск развития ММ, ассоциированный с функционально значимым полиморфизмом гена интерлейкина-6.

Материалы и методы. В исследование вошли 272 пациентки с диагнозом ММ, которые находились на оперативном лечении в отделении оперативной гинекологии Курского областного перинатального центра и Курского городского родильного дома в период с 2010 по 2015 гг. Диагноз ММ устанавливался квалифицированными врачами-гинекологами. Контрольную группу составили 181 человек, сопоставимых по возрасту, не имеющих клинических и УЗИ-признаков ММ. Геномную ДНК выделяли стандартным методом фенольно-хлороформной экстракции. Генотипирование полиморфизма -174G>C (rs1800795) гена *IL 6* проводилось методом ПЦР в режиме «реального времени» путем дискриминации аллелей с помощью TaqMan-зондов на амплификаторе CFX96 (Bio-Rad).

Результаты и их обсуждение. Распределение частоты аллелей и генотипов полиморфизма -174G>C гена *IL 6* у больных ММ и в контрольной группе находились в равновесии Харди–Вайнберга ($P > 0,05$). Частота аллеля G в группе больных ММ составила 0,423, в группе контроля – 0,467 ($P > 0,05$). Частота гомозиготного генотипа GG в группе пациенток с ММ составила 18,4%, генотипа GC – 47,8%, генотипа CC – 33,8%. Распределение частот генотипов в группе контроля: генотип GG – 18,2%, GC – 56,9%, CC – 24,9%. Установлено, что гомозиготный генотип CC ассоциировался с повышенным риском развития ММ (OR=1,54; 95%ДИ 1,01—2,35; $p=0,04$).

Выводы. Согласно данным нашего исследования, полиморфизм -174G>C гена *IL 6* связан с риском развития ММ в популяции русских жителей Центрально-Черноземного региона России.