

Касперович Ю. В., Туркиневич О. М.

СРАВНИТЕЛЬНЫЙ АНАЛИЗ БАКТЕРИОЛОГИЧЕСКИХ ПОСЕВОВ И ЧУВСТВИТЕЛЬНОСТИ К АНТИБИОТИКАМ ПРИ ОСТРЫХ САЛЬПИНГООФОРИТАХ ЗА 2016 - 2018 ГОДЫ

Научный руководитель канд. мед. наук, доц. Кирильчик Е. Ю.

Кафедра микробиологии, вирусологии, иммунологии

Белорусский государственный медицинский университет, г. Минск

Актуальность. В настоящее время сальпингоофорит является преобладающей формой воспалительных заболеваний тазовых органов у женщин, нередко приводящей к бесплодию. Основой терапии являются антибактериальные препараты. Однако из-за широкого и часто необоснованного применения антибиотиков населением возросло количество резистентных штаммов микроорганизмов.

Цель: провести сравнительный анализ этиологической структуры и антибиотикорезистентности микробных сообществ при острых сальпингоофоритах в 2016-2018 гг.

Материалы и методы. В процессе работы использованы данные из первичной медицинской документации 148 женщин в возрасте от 20 до 44 лет (средний возраст составил $29,14 \pm 4,1$) с диагнозом «острый сальпингоофорит», находившихся на лечении в гинекологическом отделении учреждения здравоохранения «5 Городская клиническая больница» г. Минска в 2016 и 2018 гг. Статистическую обработку данных, полученных в результате исследований, проводили общепринятыми методами. Использовали пакет прикладных программ «Excel» (Microsoft, USA). Достоверность различий между группами оценивали с помощью критерия *t* Стьюдента.

Результаты и их обсуждение. Анализ микробных ассоциаций при воспалительных заболеваниях органов малого таза у женщин, показал, что доминантными видами в 2016 г. являлись *Staphylococcus spp.* ($21,5 \pm 0,69\%$) и *E.coli* ($17,4 \pm 0,9\%$), *Enterococcus faecalis* и *Candida spp.* встречались в $10,4 \pm 1,4\%$ случаев, на долю *Streptococcus spp.* приходилось только $2,17 \pm 6,9\%$. Этиологическая структура бактериальных сообществ, обнаруживаемых у женщин с сальпингитом в 2018 г., характеризовалась достоверными отличиями: кишечные бактерии являлись преобладающим факультативным патогеном ($28,0 \pm 0,36\%$; $p < 0,05$), в значительном проценте случаев высевались стрептококки ($14,0 \pm 0,71\%$; $p < 0,05$), в то время как *Staphylococcus spp.* обнаруживались лишь в $13,0 \pm 0,77\%$ случаев ($p < 0,05$).

Согласно литературным данным в подобных микробных ассоциациях микроорганизмы характеризуются естественной и приобретенной устойчивостью к антибиотикам, успешно выживают и сохраняют свою вирулентность. Сравнительный анализ антибиотикорезистентности выявил следующие существенные отличия: *E.coli* в 2016 г. была высокочувствительна к доксициклину, однако уже к 2018 г. ее резистентность составила $14,3 \pm 4,4\%$ (различия достоверны, $p < 0,05$). Также значительную резистентность в 2018 г. *E.coli* проявляла к амоксициллину $78,5 \pm 2,7$ и ампициллину $25,1 \pm 0,94$. Со стороны *Staphylococcus spp.*, как в 2016 г., так и в 2018 г. отмечалась абсолютная резистентность к пенициллину G. Следует отметить, что резистентность к азитромицину достоверно возросла к 2018 г. и составила $54,5 \pm 0,54\%$ при сравнении с $12,6 \pm 7,8\%$ в 2016 г. ($p < 0,05$).

Выводы. 1. Выявлены достоверные различия этиологической структуры бактериальных сообществ у женщин с острыми сальпингитами в 2016 и 2018 гг.

2. Отмечается достоверный рост антибиотикорезистентности *E.coli* к доксициклину и *Staphylococcus spp.* к азитромицину в составе микробных сообществ при острых сальпингитах в период с 2016 до 2018 гг.