

Дикарева Е. А.

ВЛИЯНИЕ ГЕНОВ *HELICOBACTER PYLORI* НА РАЗВИТИЕ ГАСТРОПАТИИ, ИНДУЦИРОВАННОЙ ПРИЁМОМ НЕСТЕРОИДНЫХ ПРОТИВОВОСПАЛИТЕЛЬНЫХ СРЕДСТВ

Научный руководитель д-р мед. наук, проф. Макаренко Е. В.

Кафедра терапии №2 факультета повышения квалификации и переподготовки кадров

Витебский государственный медицинский университет, г. Витебск

Актуальность. Влияние факторов патогенности *Helicobacter pylori* (*H. pylori*) на вероятность возникновения гастропатии, индуцированной приёмом нестероидных противовоспалительных средств (НПВС-гастропатии), исследовано недостаточно.

Цель: изучить влияние генов *H. pylori* на развитие НПВС-гастропатии у пациентов с ревматоидным артритом (РА), которые в течении длительного времени принимали нестероидные противовоспалительные средства (НПВС).

Материалы и методы. В исследование по выявлению генетических факторов риска развития НПВС-гастропатии было включено 116 пациентов с РА (94 женщины и 22 мужчины) в возрасте от 25 до 74 лет. Длительность приёма НПВС составила от 6 месяцев до 20 лет. У всех обследованных была выявлена хеликобактерная инфекция.

Всем пациентам выполняли эзофагогастроуденоскопию (ЭГДС). По данным ЭГДС все обследованные были разделены на две группы: 1 – пациенты с НПВС-гастропатией; 2 – участники исследования без НПВС-гастропатии. Полимеразная цепная реакция (ПЦР) осуществлялась с использованием наборов «АмплиСенс 100-R» (Россия). У участников исследования определяли *cagA*, *vacAm1*, *vacAm2*, *vacAs1*, *vacAs1a*, *vacAs1b*, *vacAs1c*, *vacAs2*, *babA*, *iceA1*, *iceA2* и *dupA* гены *H. pylori*.

Результаты и их обсуждение. По большинству изученных генов *H. pylori* не было выявлено статистически значимых различий между группами пациентов с НПВС-гастропатией и без таковой ($p > 0,05$). У пациентов с НПВС-гастропатией статистически значимо чаще встречались штаммы микроорганизма *H. pylori*, имеющего гены *vacAm2* ($\chi^2 = 5,44$; $p = 0,016$), *vacAs2* ($\chi^2 = 4,11$; $p = 0,030$), *iceA2* ($\chi^2 = 6,59$; $p = 0,030$) и *dupA* ($\chi^2 = 4,12$; $p = 0,038$). Таким образом, перечисленные гены *H. pylori* могут рассматриваться как дополнительные факторы риска возникновения НПВС-гастропатии.

Выводы: У пациентов с РА, длительно принимающих НПВС и имеющих НПВС-гастропатию, статистически значимо чаще встречались гены *vacAm2*, *vacAs2*, *iceA2* и *dupA* микроорганизма *H. pylori*, чем у аналогичных без эрозивно-язвенных повреждений слизистой оболочки гастродуоденальной зоны.