

Топтун П. Д.

БАКТЕРИАЛЬНАЯ ФЛОРА, ВЫЗЫВАЮЩАЯ ЗАБОЛЕВАНИЯ ВЕРХНИХ ДЫХАТЕЛЬНЫХ ПУТЕЙ У ДЕТЕЙ НА АМБУЛАТОРНОМ ЭТАПЕ

Научный руководитель: канд. мед. наук, доц. Скепьян Е. Н.

Кафедра клинической фармакологии

Белорусский государственный медицинский университет, Минск

Актуальность. Болезни органов дыхания занимают лидирующую позицию в структуре общей заболеваемости детей. Среди возбудителей заболеваний верхних дыхательных путей преобладают вирусы, но у части пациентов подтверждается бактериальный генез заболеваний, требующих грамотного выбора эмпирической терапии.

Цель: проанализировать и сопоставить результаты бактериологического обследования детей с заболеваниями верхних дыхательных путей в периоды с 2010 по 2016гг. соответственно.

Материалы и методы. Был проведен сравнительный анализ бактериологического обследования мазков из зева и носа на флору и чувствительность к антибиотикам, взятых у 4780 детей с различными заболеваниями верхних дыхательных путей (тонзиллиты, риносинуситы, аденоидиты и т.д.), обратившихся за амбулаторным лечением в периоды с 2010г. по 2016г на базе детской городской поликлиники г. Минска. Возбудителей выявляли при использовании бактериологического метода, с определением их чувствительности к антибактериальным препаратам в «Минском городском центре гигиены и эпидемиологии».

Результаты и их обсуждение. Чаще всего у детей выявлялись представители «Грам+» флоры, среди которой доминировали *Staphylococcus aureus* (2010г.-82,7%, 2016г.-81,8%, в т.ч. MRSA 2016г.-11%); *Streptococcus pneumoniae* (2010г.-6,5%, 2016г.-11,3%, $p<0,01$); *Streptococcus pyogenes* (2010г.-10,2%, 2016г.-5,5%, $p<0,01$). «Грам-» возбудители встречались реже (2010г.-13,3%, 2016г.-15,7%) и были представлены: *Haemophilus Influenzae* (2010г.-22,3%, 2016г.-24,5%); *Klebsiella pneumoniae* (2010г.-14,9%, 2016г.-21,4%, $p<0,001$); *Moracella catarrhalis* (2010г.-30,5%, 2016г.-21,4%, $p<0,001$); *Pseudomonas aeruginosa* (2010г.-16,4% 2016г.-17,3%). В 2009-2016гг. более чем у четверти пациентов были определены грибы рода *Candida albicans*.

Выводы. За период с 2010 по 2016гг. внебольничные бактериальные заболевания верхних дыхательных путей у детей были вызваны чаще представителями «Грам+» микрофлоры с увеличением доли в 2016г. *Streptococcus pneumoniae* ($p<0,01$), уменьшением выявления *Streptococcus pyogenes* ($p<0,01$). Среди «Грам-» микрофлоры выявлено увеличение доли *Klebsiella pneumoniae* ($p<0,001$) и некоторое снижение выявления *Moracella catarrhalis*.