

Мащиц В. Д.
ЭТИОЛОГИЧЕСКАЯ СТРУКТУРА ИНФЕКЦИЙ МОЧЕВЫВОДЯЩИХ
ПУТЕЙ У ДЕТЕЙ

Научные руководители: канд. мед. наук, доц. Слизень В. В.,
канд. мед. наук, доц. Рубан А. П.

Кафедра микробиологии, вирусологии, иммунологии
Белорусский государственный медицинский университет, г. Минск

Актуальность. Высокий уровень заболеваемости инфекциями мочевыводящих путей (ИМП) у детей (1,8%) диктует необходимость оценки этиологической структуры ИМП и уровня резистентности их основных этиологических агентов.

Цель: расширить представления об этиологической структуре ИМП у детей и резистентности их основных возбудителей.

Материалы и методы. Проведен анализ результатов положительных посевов мочи у 82 пациентов в возрасте от 1 месяца до 18 лет. Выделение и идентификация культур из образцов мочи проводились в ГУ «Минский областной центр гигиены, эпидемиологии и общественного здоровья». Определение резистентности осуществляли автоматизированным методом путем определения МИК (мкг/мл) и сравнения МИК со стандартными пограничными концентрациями для чувствительных, умеренно резистентных и резистентных культур, указанных в стандартах клинической лабораторной диагностики (CLSI, 2015 г.). Анализ результатов проводили с использованием методов вариационной статистики.

Результаты и их обсуждение. ИМП у детей вызывали 15 видов микроорганизмов. Из семейства *Enterobacteriaceae* (61,25% [49] от общего числа микроорганизмов) были выявлены *Escherichia coli* (63,28% [31]), *Klebsiella pneumoniae* (20,4% [10]), *Citrobacter freundii* (6,12% [3]), *Klebsiella oxytoca* (4,08% [2]), *Proteus mirabilis* (4,08% [2]), *Morganella morganii* (2,04% [1]). Среди семейства *Enterococcaceae* (23, 75% [19] от общего числа микроорганизмов) были идентифицированы *Enterococcus faecalis* (68,4% [13]) и *Enterococcus faecium* (31,6% [6]). Из порядка *Pseudomonadales* (10% [8] от общего числа микроорганизмов) были высеяны *Pseudomonas aeruginosa* (50% [4]), *Acinetobacter lwoffii* (25% [2]), *Acinetobacter baumannii* (12,5% [1]) и *Acinetobacter haemolyticus* (12,5% [1]). Самую малочисленную группу составили микроорганизмы, относящиеся к семейству *Staphylococcaceae* (5% от общего числа [4]), такие как *Staphylococcus epidermalis* (50% [2]), *Staphylococcus haemolyticus* (25% [1]) и *Staphylococcus aureus* (25% [1]). Полученные данные подтверждают доминирующую роль *E.coli* в этиологии уроинфекций как у взрослых, так и у детей. На втором месте по встречаемости были *Enterococcus faecalis*, на долю которых приходилось 16,25% случаев ИМП, на третьем месте были *Klebsiella pneumoniae* (12,5% случаев). Внутри изолятов *Escherichia coli* определены различия в профилях чувствительности и резистентности к различному спектру антибактериальных препаратов.

Выводы. Основным представителем микрофлоры при ИМП у детей является *Escherichia coli* с различными показателями чувствительности и резистентности. Требуется более углубленное изучение уропатогенной *E.coli* для выявления детерминант вирулентности и резистентности.