

Акинъшина В.Ю., Уварова Е.В., Борисенко М.Ю.
**АНАЛИЗ СВЯЗИ ПОЛИМОРФИЗМА ГЕНОВ РЕЦЕПТОРОВ
 ДОФАМИНА И СЕРТОНИНА С РАЗВИТИЕМ ВТОРИЧНОЙ
 НОРМОГОНАДОТРОПНОЙ АМЕНОРЕИ У ДЕВОЧЕК-ПОДРОСТКОВ.**

Научный руководитель д-р мед. наук Уварова Е.В.

Центр инновационных образовательных программ “Медицина будущего”

Кафедра акушерства и гинекологии ПМГМУ им.И.М.Сеченова

ФГБУ «Научный центр акушерства, гинекологии и перинатологии им.

Академика В.И.Кулакова», Россия, Москва

Актуальность: Вторичная аменорея является одной из актуальных проблем гинекологии. Особый интерес представляет изучение факторов риска и клиничко-лабораторных особенностей вторичной нормогонадотропной аменореи, развивающейся на фоне психо-эмоционального стресса. В качестве патогенетических механизмов развития данной патологии рассматриваются нарушения в деятельности нейротрансмиттеров и нейромодуляторов центральной нервной системы, главным образом дофамина и серотонина, которые приводят к диссонансу деятельности импульсного генератора секреции гонадотропин-рилизинг гормона гипоталамуса и, как следствие, нарушениям циклической секреции фолликулостимулирующего и лютеинизирующего гормонов гипофиза.

Цель: Учитывая вышеизложенное, целью исследования явилось изучение роли генетического полиморфизма рецепторов серотонина и дофамина у девочек-подростков в развитии вторичной нормогонадотропной аменореи.

Материалы и методы: обследовано 78 девочек в возрасте от 15 до 17 лет. Основную группу составили 39 пациенток со вторичной нормогонадотропной аменореей. Диагноз установлен на основании клиничко-anamnestических и лабораторных данных. В контрольную группу вошли 39 девочек с регулярным менструальным циклом. Проведено одномоментное исследование полиморфизмов генов рецепторов серотонина 1A (-1019(1016) C>G) и 2A (102 C>T (S34S)) и дофамина D2 (C32806T C>T (Glu713Lys)), D3(C>T (Gly9Ser)), D4 (-521 C>T) методом полимеразной цепной реакции с анализом кривых плавления в лаборатории молекулярно-генетических методов исследования. ДНК выделяли модифицированным методом Higuchi [R. Higuchi, H. Erlich, 1989], генотипирование - по методике, разработанной ООО «НПО ДНК-Технология» (Россия).

Результаты: Распределение аллелей полиморфного локуса дофаминовых рецепторов DRD4: -521 C>T (rs1800955) показало статистически значимое повышение генотипической частоты аллеля Т у пациенток со вторичной нормогонадотропной аменореей по сравнению со здоровыми девочками (70,8% против 57,3%, $p = 0,008$). При исследовании полиморфизмов генов рецепторов серотонина (HTR1A, HTR2A) и дофамина (DRD2 и DRD3) не было выявлено статистически значимых различий у основной и контрольной группы.

Выводы: Наличие генотипа Т/Т гена DRD4 по локусу 521 C>T можно считать фактором риска развития вторичной нормогонадотропной аменореи у девочек-подростков и следует диагностировать и в последующем учитывать при выборе тактики ведения таких пациенток.