

ГЕНЕТИЧЕСКАЯ СТРУКТУРА ПОПУЛЯЦИИ ВИРУСА ГЕПАТИТА А В РЕСПУБЛИКЕ БЕЛАРУСЬ

Плотникова К.Ю., Гудков В.Г., канд. мед. наук

Республиканский научно-практический центр эпидемиологии и микробиологии

Вирусный гепатит А (ГА) распространен повсеместно и причиняет обществу существенный ущерб. Многолетнее последовательное снижение в Беларуси заболеваемости ГА привело к возрастанию риска заболевания среди неимунного к вирусу гепатита А (ВГА) населения. В этих условиях большое значение приобретает молекулярно-эпидемиологический мониторинг за популяцией ВГА, способствующий установлению связей между случаями заболеваний, путей и факторов распространения возбудителя.

Целью исследований являлось изучение генетической структуры популяции ВГА на территории Республики Беларусь.

Материалы и методы. В работе использовано 55 нуклеотидных последовательностей фрагмента VP1-P2A области генома ВГА, полученных в результате секвенирования образцов РНК, выявленных в клинических образцах больных ГА из г. Минска и других регионов республики. Анализ нуклеотидных последовательностей проводился с помощью программ MEGA5, BLAST.

Основные результаты. В ходе исследований было установлено, что в республике одновременно циркулирует несколько генетических вариантов (субгенотипы IA, IB, IIIA) вируса. При этом в 2006 и 2008 гг. преобладал субгенотип IA ($73,3 \pm 8,1$ %), а в 2009–2010 гг. — IIIA ($72,0 \pm 9,0$ %), что указывает на нестабильность генотипической структуры популяции возбудителя на территории страны, множественность источников и путей распространения инфекции. Все случаи ГА, вызванные вирусами субгенотипа IB в 2008–2010 гг., носили завозной или связанный с завозом характер, причем страной происхождения вируса являлся Египет. Случаи завоза отмечались также и для вариантов ВГА, относящихся к IA- и IIIB-субгенотипам. Наблюдавшийся в г. Минске в первые пять месяцев 2010 г. четырехкратный рост заболеваемости ГА по сравнению с аналогичным периодом 2009 г. преимущественно был обусловлен распространением различных штаммов вируса субгенотипа IIIA.

Заключение. Популяция вируса гепатита А, циркулирующая на территории Беларуси, гетерогенна и представлена как местными, так и завозными вариантами возбудителя.