

Богданович К. В., Костенко М. К.
ВЫЯВЛЕНИЕ ГЕНЕТИЧЕСКОЙ ГЕТЕРОГЕННОСТИ
САЛЬМОНЕЛЛ, ВЫДЕЛЕННЫХ ВО ВРЕМЯ ВСПЫШЕК В РБ
Научный руководитель канд. мед. наук, доц. Слизень В. В.
Кафедра микробиологии, вирусологии, иммунологии
Белорусский государственный медицинский университет, г. Минск

Актуальность. Сальмонеллёзы представляют проблему здравоохранения, санитарно-эпидемиологического и ветеринарного надзора в большинстве стран мира, что связано с высоким уровнем заболеваемости и отсутствием предпосылок к его снижению, обусловленных массовым производством и экспортом продуктов питания, активизацией туризма, появлением устойчивых к антибиотикам вариантов.

Цель: внедрение методов молекулярно-эпидемиологического типирования сальмонелл, что является одним из подходов к сдерживанию распространения возбудителей сальмонеллезозов.

Материал и методы. Были исследованы 26 штаммов сальмонелл, выделенных от больных, носителей, из внешней среды, продуктов питания в инфекционных больницах, ЦГЭ в Витебской, Гродненской, Могилевской областях, принадлежащих к серотипам *S. Agona*, *S. Akaji*, *S. Blegdam*, *S. Enteritidis*, *S. London*, *S. Typhimurium*. Для выявления идентичности сальмонелл, выделенных из разных источников, проводил сравнение профилей ампликонов, образованных как в RAPD-ПЦР с праймером P1254, так и ERIC-ПЦР, а также спектра генов устойчивости.

Результаты. Сальмонеллы, принадлежащие к разным серовариантам *S. Blegdam*, *S. Typhi*, *S. London*, *S. Akaji*, *S. Agona*, образовывали разные электрофоретические профили как в ERIC, так RAPD-ПЦР. Поступившие на исследование *S. Enteritidis* из Волковыска (4 культуры) не были идентичны штамму из Могилева (n=1). Все 4 культуры из Волковысской центральной районной больницы были идентичны между собой в ERIC, а также в RAPD-ПЦР. Эти культуры были выделены во время вспышки в деревне Репля от взрослого, ребенка и из куриного яйца, а также у ребенка из Волковыска (за месяц до вспышки в д. Репля). Поступившие на исследования культуры *S. Typhimurium* из разных областей РБ (Гродненской, Могилевской, Витебской) не всегда проявляли идентичность в ERIC и RAPD-ПЦР, что свидетельствует о присутствии в циркуляции разных вариантов *S. Typhimurium* и множественности резервуаров возбудителей.

Выводы:

1. Сравнение идентичности профилей фрагментов, образуемых в RAPD-ПЦР и ERIC-ПЦР позволяет выявлять гетерогенность сальмонелл, что важно в эпидемиологических расследованиях.
2. Циркулирующие в РБ *S. Typhimurium* и *S. Enteritidis* генетически гетерогенны.